



ANUNCIO



Integrando genómica y taxonomía: hacia una red de colaboración y formación.

Pedro Jiménez Mejías
Universidad
Pablo de Olavide
Sevilla



Lisa Pokorny
Real Jardín
Botánico
Madrid

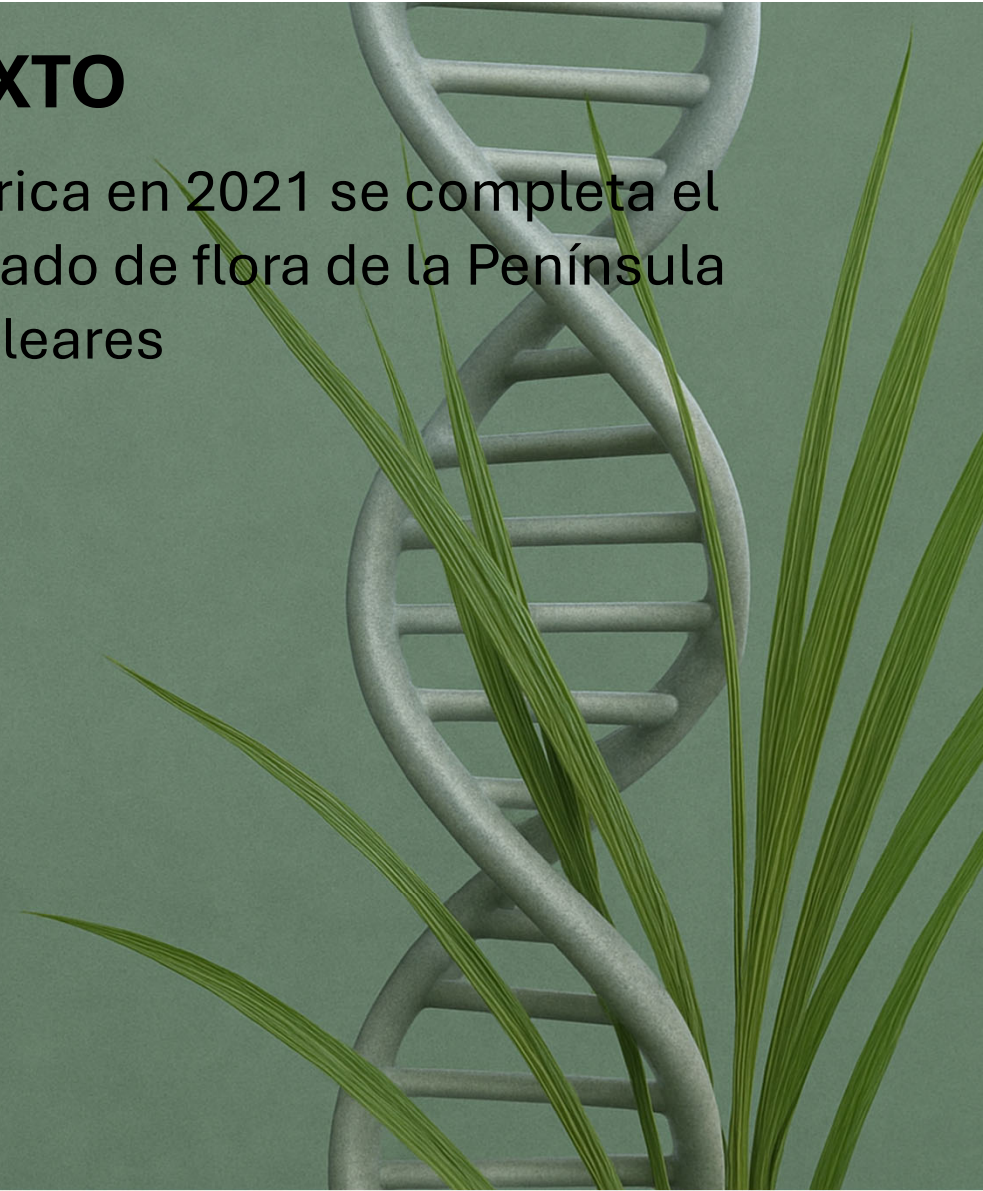


Juan Viruel
Universidad de
Zaragoza



CONTEXTO

Con la consecución de Flora Iberica en 2021 se completa el primer catálogo completo y revisado de flora de la Península Ibérica y Baleares



CONTEXTO

Con la consecución de Flora Iberica en 2021 se completa el primer catálogo completo y revisado de flora de la Península Ibérica y Baleares

Completo y revisado
que no
FINAL



CONTEXTO

No pocos grupos de plantas aún son inestables en su configuración e ilustran nuestras pesadillas taxonómicas. Hibridación, poliploidía o radiaciones pueden confundir los esquemas taxonómicos y desdibujar las unidades de manejo que son las especies.

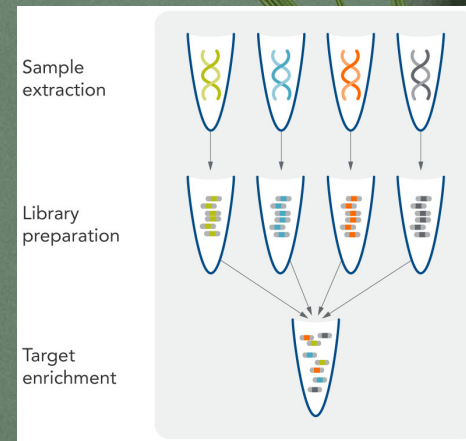


CONTEXTO

Las herramientas genómicas han permitido resolver algunos complejos taxonómicos.

Los estudios existentes suelen ser fragmentarios, desiguales en muestreo.

Esto limita su utilidad para generar marcos taxonómicos reproducibles que sirvan de base para la gestión de la biodiversidad.




```

P[0] = P[1] * 2;
P[1] = P[2] * 2;
P[2] = P[3] * 2;
P[3] = P[4] * 2;
P[4] = P[5] * 2;
P[5] = P[6] * 2;
P[6] = P[7] * 2;
P[7] = P[8] * 2;
P[8] = P[9] * 2;
P[9] = P[10] * 2;
P[10] = P[11] * 2;
P[11] = P[12] * 2;
P[12] = P[13] * 2;
P[13] = P[14] * 2;
P[14] = P[15] * 2;
P[15] = P[16] * 2;
P[16] = P[17] * 2;
P[17] = P[18] * 2;
P[18] = P[19] * 2;
P[19] = P[20] * 2;
P[20] = P[21] * 2;
P[21] = P[22] * 2;
P[22] = P[23] * 2;
P[23] = P[24] * 2;
P[24] = P[25] * 2;
P[25] = P[26] * 2;
P[26] = P[27] * 2;
P[27] = P[28] * 2;
P[28] = P[29] * 2;
P[29] = P[30] * 2;
P[30] = P[31] * 2;
P[31] = P[32] * 2;
P[32] = P[33] * 2;
P[33] = P[34] * 2;
P[34] = P[35] * 2;
P[35] = P[36] * 2;
P[36] = P[37] * 2;
P[37] = P[38] * 2;
P[38] = P[39] * 2;
P[39] = P[40] * 2;
P[40] = P[41] * 2;
P[41] = P[42] * 2;
P[42] = P[43] * 2;
P[43] = P[44] * 2;
P[44] = P[45] * 2;
P[45] = P[46] * 2;
P[46] = P[47] * 2;
P[47] = P[48] * 2;
P[48] = P[49] * 2;
P[49] = P[50] * 2;
P[50] = P[51] * 2;
P[51] = P[52] * 2;
P[52] = P[53] * 2;
P[53] = P[54] * 2;
P[54] = P[55] * 2;
P[55] = P[56] * 2;
P[56] = P[57] * 2;
P[57] = P[58] * 2;
P[58] = P[59] * 2;
P[59] = P[60] * 2;
P[60] = P[61] * 2;
P[61] = P[62] * 2;
P[62] = P[63] * 2;
P[63] = P[64] * 2;
P[64] = P[65] * 2;
P[65] = P[66] * 2;
P[66] = P[67] * 2;
P[67] = P[68] * 2;
P[68] = P[69] * 2;
P[69] = P[70] * 2;
P[70] = P[71] * 2;
P[71] = P[72] * 2;
P[72] = P[73] * 2;
P[73] = P[74] * 2;
P[74] = P[75] * 2;
P[75] = P[76] * 2;
P[76] = P[77] * 2;
P[77] = P[78] * 2;
P[78] = P[79] * 2;
P[79] = P[80] * 2;
P[80] = P[81] * 2;
P[81] = P[82] * 2;
P[82] = P[83] * 2;
P[83] = P[84] * 2;
P[84] = P[85] * 2;
P[85] = P[86] * 2;
P[86] = P[87] * 2;
P[87] = P[88] * 2;
P[88] = P[89] * 2;
P[89] = P[90] * 2;
P[90] = P[91] * 2;
P[91] = P[92] * 2;
P[92] = P[93] * 2;
P[93] = P[94] * 2;
P[94] = P[95] * 2;
P[95] = P[96] * 2;
P[96] = P[97] * 2;
P[97] = P[98] * 2;
P[98] = P[99] * 2;
P[99] = P[100] * 2;
P[100] = P[101] * 2;
P[101] = P[102] * 2;
P[102] = P[103] * 2;
P[103] = P[104] * 2;
P[104] = P[105] * 2;
P[105] = P[106] * 2;
P[106] = P[107] * 2;
P[107] = P[108] * 2;
P[108] = P[109] * 2;
P[109] = P[110] * 2;
P[110] = P[111] * 2;
P[111] = P[112] * 2;
P[112] = P[113] * 2;
P[113] = P[114] * 2;
P[114] = P[115] * 2;
P[115] = P[116] * 2;
P[116] = P[117] * 2;
P[117] = P[118] * 2;
P[118] = P[119] * 2;
P[119] = P[120] * 2;
P[120] = P[121] * 2;
P[121] = P[122] * 2;
P[122] = P[123] * 2;
P[123] = P[124] * 2;
P[124] = P[125] * 2;
P[125] = P[126] * 2;
P[126] = P[127] * 2;
P[127] = P[128] * 2;
P[128] = P[129] * 2;
P[129] = P[130] * 2;
P[130] = P[131] * 2;
P[131] = P[132] * 2;
P[132] = P[133] * 2;
P[133] = P[134] * 2;
P[134] = P[135] * 2;
P[135] = P[136] * 2;
P[136] = P[137] * 2;
P[137] = P[138] * 2;
P[138] = P[139] * 2;
P[139] = P[140] * 2;
P[140] = P[141] * 2;
P[141] = P[142] * 2;
P[142] = P[143] * 2;
P[143] = P[144] * 2;
P[144] = P[145] * 2;
P[145] = P[146] * 2;
P[146] = P[147] * 2;
P[147] = P[148] * 2;
P[148] = P[149] * 2;
P[149] = P[150] * 2;
P[150] = P[151] * 2;
P[151] = P[152] * 2;
P[152] = P[153] * 2;
P[153] = P[154] * 2;
P[154] = P[155] * 2;
P[155] = P[156] * 2;
P[156] = P[157] * 2;
P[157] = P[158] * 2;
P[158] = P[159] * 2;
P[159] = P[160] * 2;
P[160] = P[161] * 2;
P[161] = P[162] * 2;
P[162] = P[163] * 2;
P[163] = P[164] * 2;
P[164] = P[165] * 2;
P[165] = P[166] * 2;
P[166] = P[167] * 2;
P[167] = P[168] * 2;
P[168] = P[169] * 2;
P[169] = P[170] * 2;
P[170] = P[171] * 2;
P[171] = P[172] * 2;
P[172] = P[173] * 2;
P[173] = P[174] * 2;
P[174] = P[175] * 2;
P[175] = P[176] * 2;
P[176] = P[177] * 2;
P[177] = P[178] * 2;
P[178] = P[179] * 2;
P[179] = P[180] * 2;
P[180] = P[181] * 2;
P[181] = P[182] * 2;
P[182] = P[183] * 2;
P[183] = P[184] * 2;
P[184] = P[185] * 2;
P[185] = P[186] * 2;
P[186] = P[187] * 2;
P[187] = P[188] * 2;
P[188] = P[189] * 2;
P[189] = P[190] * 2;
P[190] = P[191] * 2;
P[191] = P[192] * 2;
P[192] = P[193] * 2;
P[193] = P[194] * 2;
P[194] = P[195] * 2;
P[195] = P[196] * 2;
P[196] = P[197] * 2;
P[197] = P[198] * 2;
P[198] = P[199] * 2;
P[199] = P[200] * 2;
P[200] = P[201] * 2;
P[201] = P[202] * 2;
P[202] = P[203] * 2;
P[203] = P[204] * 2;
P[204] = P[205] * 2;
P[205] = P[206] * 2;
P[206] = P[207] * 2;
P[207] = P[208] * 2;
P[208] = P[209] * 2;
P[209] = P[210] * 2;
P[210] = P[211] * 2;
P[211] = P[212] * 2;
P[212] = P[213] * 2;
P[213] = P[214] * 2;
P[214] = P[215] * 2;
P[215] = P[216] * 2;
P[216] = P[217] * 2;
P[217] = P[218] * 2;
P[218] = P[219] * 2;
P[219] = P[220] * 2;
P[220] = P[221] * 2;
P[221] = P[222] * 2;
P[222] = P[223] * 2;
P[223] = P[224] * 2;
P[224] = P[225] * 2;
P[225] = P[226] * 2;
P[226] = P[227] * 2;
P[227] = P[228] * 2;
P[228] = P[229] * 2;
P[229] = P[230] * 2;
P[230] = P[231] * 2;
P[231] = P[232] * 2;
P[232] = P[233] * 2;
P[
```

12/01/2015 21:55

PROPUESTA

Integrar genómica y taxonomía creando una red de colaboración y formación.

Identificar y priorizar conflictos taxonómicos relevantes.



PROPUESTA

Integrar genómica y taxonomía creando una red de colaboración y formación.

Identificar y priorizar conflictos taxonómicos relevantes.

Desarrollar una estrategia de muestreo coordinada que vincule material tipo (o topotipo) y especímenes verificados.



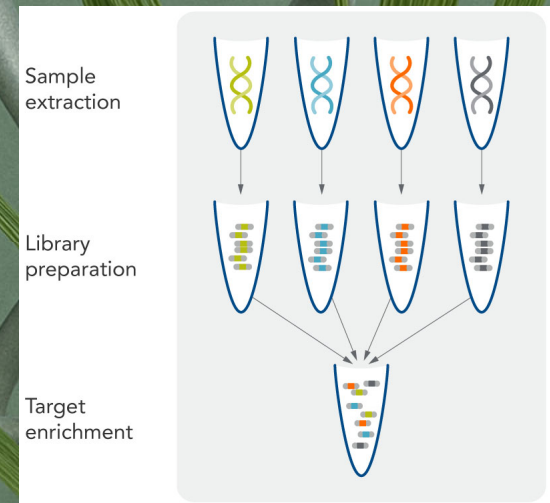
PROPUESTA

Integrar genómica y taxonomía creando una red de colaboración y formación.

Identificar y priorizar conflictos taxonómicos relevantes.

Desarrollar una estrategia de muestreo coordinada que vincule material tipo (o topotipo) y especímenes verificados.

Adaptar datos obtenidos mediante la captura génica con Angiosperms353 a la complejidad de cada problema taxonómico.



PROPUESTA

Integrar genómica y taxonomía creando una red de colaboración y formación.

Identificar y priorizar conflictos taxonómicos relevantes.

Desarrollar una estrategia de muestreo coordinada que vincule material tipo (o topotipo) y especímenes verificados.

Adaptar datos obtenidos mediante la captura génica con Angiosperms353 a la complejidad de cada problema taxonómico.

Reforzar la capacidad genómica y bioinformática en las instituciones ibéricas mediante **formación estructurada, mentoría y flujos de trabajo compartidos.**



ENCUESTA

¡Sólo 11 preguntas!
Participa y discute con
nosotros durante el
simposio



HORIZONTE DE TRABAJO

Crear una red de colaboradores interesados en impulsar la taxonomía integrativa en la Península Ibérica.

establecer prioridades comunes (muestreo, formación bioinformática, formación taxonómica, etc)

Elaborar una propuesta para la obtención de financiación para Otoño de 2026.



¡GRACIAS A TODOS!



Pedro Jiménez Mejías
pjimmej@gmail.com

Lisa Pokorny
pokorny@rjb.csic.es

Juan Viruel
juanviruel@gmail.com